

基于改进排挤遗传算法的旅行商问题研究

刘文涛¹
LIU Wentao

摘要

遗传算法在求解旅行商问题时，特别对于存在多个解的旅行商问题，容易陷入局部最优解，为了防止提前收敛，文章提出了一种基于改进排挤遗传的算法。算法使用小生境排挤遗传，使种群在遗传过程中，保持种群多样性，并能在排挤过程中逐渐聚焦到不同的最优解，可以一次性求出多个最优解路径。同时在遗传过程中，利用路径价值进行预算，剔除弱价值路径，用强价值路径进化，提高了进化速度。通过对多个案例的实验和测试，结果表明该算法具有很好的求解精度和运行效率。

关键词

遗传算法；排挤遗传；旅行商问题；路径价值预算

doi: 10.3969/j.issn.1672-9528.2025.11.005

0 引言

旅行商问题(travelling salesman problem, TSP)在很多领域都有应用，例如物流配送、机器人路径规划、电路设计等。TSP问题可以描述为一个旅行商想要走遍 n 个地点，每个地点之间的长度是已知的，如何选择一条路线，使得旅行商每个地点只走一次，并且回到起点，最后所走的路线总长度是最短的。其数学模型定义为：

$$\min \text{Length} = \sum_{i=1}^{n-1} L(d_i, d_{i+1}) + L(d_n, d_1) \quad (1)$$

式中： $L(d_i, d_{i+1})$ 表示两个地点 d_i 到 d_{i+1} 的距离长度，即在一个子集 $D = \{1, 2, \dots, n\}$ 中找到一个序列 $\{d_1, d_2, \dots, d_n\}$ ，使得总长度最小。

TSP问题是一个NP完全问题，当问题规模扩大时，其计算时间会变得很大。求解TSP问题的方法有很多，例如人工鱼群算法^[1]、蚁群算法^[2]、神经网络^[3]、粒子群算法^[4]、模拟退火算法^[5]、人工协同搜索算法^[6]、麻雀搜索算法^[7]、深度强化学习^[8]、自适应对抗学习^[9]、禁忌搜索算法^[10]等。在用遗传算法求解TSP问题时，会出现收敛过早的问题，容易导致染色体过早聚焦到某个局部最优解。另外，遗传算法一般只能求解到一个最优解，对于有多个最优解的TSP问题，其无法解决。基于此，本文使用小生境排挤遗传算法，使种群在遗传过程中根据距离进行聚集，相似的个体进化出不同的小生境区域，可以同时求出多个不同的最优解。同时，使用路径价值预算操作，使得更优的路径优先选择，有利于快速求出最优解，提高算法的求解效率。

1 改进排挤遗传

1.1 算子选择

遗传算法中，需要根据实际问题设计合理的编码，让问题的解和编码能够对应。对于TSP问题，有多种编码形式，例如顺序表示、路径表示或者邻近表示^[11]。本文算法采用路径表示，每个地点对应一位编码，则一个染色体表示的就是一条路径。适应度函数用于求染色体的适应度值，用总距离的倒数表示适应度值，适应度越大表示距离价值越大。其计算公式为：

$$\text{fitness} = \frac{1}{\sum_{i=1}^{n-1} L(d_i, d_{i+1}) + L(d_n, d_1)} \quad (2)$$

选择算子^[12]目的是从种群中选择一部分染色体遗传到下一代染色体中。一般遵循的规则是优胜劣汰，选择价值大的染色体，剔除价值弱的染色体。但要保持一定的种群多样性，防止过早收敛，所以采用一定的选择概率进行选择。一般采用赌轮盘选择方法进行选择。交叉算子^[13]是遗传算法的重要过程，其作用是对于两个个体，使用一定的交叉方法产生两个新的子代个体。本文算法中，采用随机地点交叉方法。为了保持种群的多样性，在遗传的过程中，需要对染色体进行变异操作^[14]。文中采用单点变异方法实现，随机生成两个变异的位置点，然后对染色体的两个位置点数值进行交换。

1.2 路径价值预算

为了提高计算速度，使得种群在遗传过程中更加快速聚焦到最优解集合中，在算法中，使用一个路径价值预算的方法使得有价值的路径被优先选择。其实现过程如下：

(1) 保存选择的某个染色体为临时个体。

(2) 生成随机的位置点，由于第1个地点固定，所以要剔除第1个位置点。

1. 武汉轻工大学数学与计算机学院 湖北武汉 430023

(3) 对临时个体进行随机位置点的地点值进行交换, 产生新的临时个体。

(4) 分别计算新的临时个体和原始个体的适应度值, 比较适应度值, 如果新的临时个体适应度值大, 就用新的临时个体替换原始个体, 否则原始个体保持不变。

1.3 海明距离

在排挤算法中, 需要用海明距离^[15]计算两个染色体之间的距离值, 这个距离值一定程度反映相似性, 对于相似性很高的两个个体, 表示其之间的距离比较小。海明距离的计算过程如下, 对于两个染色体个体, 如果他们对应的每一位置的地点值相同, 那么距离就增加 1, 最后的总距离就是表示他们之间的海明距离。其计算公式为:

$$\text{hmdistance} = \sum_{i=1}^n \begin{cases} 1, \text{if}(C_1(i) = C_2(i)) \\ 0, \text{if}(C_1(i) \neq C_2(i)) \end{cases} \quad (3)$$

式中: C_1 和 C_2 表示两个染色体个体。

1.4 算法步骤

整个算法的实现过程如下:

(1) 初始化初始种群, 设置变异算子和交叉算子概率。

(2) 计算种群的适应度值, 并设置位置选择列表, 用来保存染色体是否被选择的标志。

(3) 随机从种群中选择两个染色体, 并在选择标志列表中标记此染色体被选择的标志, 此两个染色体称为父代染色体。

(4) 根据交叉概率, 对这两个父代染色体进行交叉算子操作, 产生两个新的染色体。

(5) 根据变异概率, 对两个新的染色体进行变异算子操作, 产生新的子代染色体。

(6) 对两个子代染色体, 进行路径价值运算操作。把路径价值更高的染色体进化到下一代种群中。

(7) 求出父代个体 1 和子代个体 1 的海明距离 $d(p_1, c_1)$, 求出父代个体 1 和子代个体 2 的海明距离 $d(p_1, c_2)$, 求出父代个体 2 和子代个体 1 的海明距离 $d(p_2, c_1)$, 求出父代个体 2 和子代个体 2 的海明距离 $d(p_2, c_2)$, 然后根据海明距离进行判断, 过程如下:

if $(d(p_1, c_1) + d(p_2, c_2) \leq d(p_1, c_2) + d(p_2, c_1))$

then

if $(f(c_1) > c(p_1))$ then $p_1 = c_1$ endif

if $(f(c_2) > f(p_2))$ then $p_2 = c_2$ endif

else then

if $(f(c_2) > f(p_1))$ then $p_1 = c_2$ endif

if $(f(c_1) > f(p_2))$ then $p_2 = c_1$ endif

endif

其中, 函数 f 用于求出染色体的适应度值。通过比较海明距离进行判断, 如直系子染色体更近, 就用直系子染色体替换父代染色体, 如果旁系子染色体更近, 就用旁系子染色

体替换父代染色体。这种排挤操作, 会使得染色体进化出多个小生境区域, 使得算法可以求出不同的最优解, 而不会导致都聚集到唯一最优解。对于求解有多个最优解的 TSP 问题, 这种方式可以同时求出更多不同的最优解。

(8) 用新的染色体替换旧的染色体。

(9) 循环执行 (3) ~ (8), 直到种群中的所有染色体都选择完毕。

(10) 循环执行 (2) ~ (9), 直到运行满足指定的遗传代数。根据适应度函数值, 求出最后种群中的最优解, 即适应度函数值最大的染色体。对于具有相同适应度值但具有不同形式的最优解都要求出。

2 实验测试

2.1 算例选择

为了设计出具有多个最优解的 TSP 测试数据, 需要对地点之间的距离值进行处理。每个地点之间的距离值是对称的, TSP 算例的所有数据表示形式为:

$$\text{Data} = \begin{cases} \{d_i, d_j, L(d_i, d_j)\} \\ d_i \in \{0, 1, \dots, n-1\}, d_j \in \{0, 1, \dots, n-1\}, d_i < d_j \end{cases} \quad (4)$$

这里给出 5 个算例的数据信息, 包括地点距离数据、地点个数、算例的最优解距离值, 以及最优解的个数, 用于算法测试对比。

算例 1:

{0,1,29}, {0,2,32}, {0,3,32}, {0,4,32}, {0,5,32}, {1,2,29}, {1,3,29}, {1,4,31}, {1,5,31}, {2,3,32}, {2,4,32}, {2,5,32}, {3,4,29}, {3,5,29}, {4,5,29}

算例 1 有 6 个地点, 最优解的距离是 180, 共有 20 个最优解。

算例 2:

{0,1,63}, {0,2,61}, {0,3,62}, {0,4,65}, {0,5,63}, {0,6,64}, {0,7,65}, {1,2,63}, {1,3,63}, {1,4,64}, {1,5,65}, {1,6,64}, {1,7,63}, {2,3,61}, {2,4,65}, {2,5,62}, {2,6,64}, {2,7,61}, {3,4,62}, {3,5,65}, {3,6,64}, {3,7,64}, {4,5,63}, {4,6,63}, {4,7,63}, {5,6,65}, {5,7,63}, {6,7,62}

算例 2 有 8 个地点, 最优解的距离是 499, 共有 22 个最优解。

算例 3:

{0,1,10}, {0,2,15}, {0,3,20}, {0,4,25}, {0,5,31}, {0,6,351}, {0,7,40}, {0,8,45}, {0,9,502}, {1,2,35}, {1,3,25}, {1,4,30}, {1,5,352}, {1,6,40}, {1,7,45}, {1,8,50}, {1,9,55}, {2,3,302}, {2,4,35}, {2,5,402}, {2,6,45}, {2,7,50}, {2,8,55}, {2,9,60}, {3,4,403}, {3,5,45}, {3,6,501}, {3,7,55}, {3,8,60}, {3,9,65}, {4,5,502}, {4,6,55}, {4,7,602}, {4,8,651}, {4,9,70}, {5,6,603}, {5,7,45}, {5,8,701}, {5,9,75}, {6,7,702}, {6,8,753}, {6,9,80}, {7,8,45}, {7,9,90}, {8,9,95}

算例 3 有 10 个地点, 最优解的距离是 445, 共有 198 个

最优解。

算例 4:

{0,1,12}, {0,2,16}, {0,3,16}, {0,4,17}, {0,5,12}, {0,6,12},
{0,7,12}, {0,8,17}, {0,9,12}, {1,2,16}, {1,3,16}, {1,4,12},
{1,5,12}, {1,6,12}, {1,7,17}, {1,8,12}, {1,9,12}, {2,3,17},
{2,4,16}, {2,5,16}, {2,6,16}, {2,7,12}, {2,8,12}, {2,9,12},
{3,4,16}, {3,5,17}, {3,6,16}, {3,7,17}, {3,8,17}, {3,9,17},
{4,5,17}, {4,6,12}, {4,7,12}, {4,8,17}, {4,9,12}, {5,6,16},
{5,7,16}, {5,8,12}, {5,9,16}, {6,7,12}, {6,8,16}, {6,9,12},
{7,8,12}, {7,9,12}, {8,9,17}

算例 4 有 10 个地点，最优解的距离是 128，共有 408 个最优解。

算例 5:

{0,1,18}, {0,2,18}, {0,3,20}, {0,4,18}, {0,5,18}, {0,6,21},
{0,7,18}, {0,8,20}, {0,9,18}, {0,10,21}, {1,2,20}, {1,3,18},
{1,4,18}, {1,5,19}, {1,6,19}, {1,7,18}, {1,8,18}, {1,9,21},
{1,10,20}, {2,3,21}, {2,4,21}, {2,5,18}, {2,6,18}, {2,7,20},
{2,8,20}, {2,9,19}, {2,10,18}, {3,4,20}, {3,5,21}, {3,6,18},
{3,7,18}, {3,8,18}, {3,9,21}, {3,10,18}, {4,5,20}, {4,6,18},
{4,7,20}, {4,8,18}, {4,9,18}, {4,10,19}, {5,6,18}, {5,7,18},
{5,8,20}, {5,9,20}, {5,10,19}, {6,7,21}, {6,8,20}, {6,9,18},
{6,10,21}, {7,8,21}, {7,9,20}, {7,10,18}, {8,9,20}, {8,10,20},
{9,10,18}

算例 5 有 11 个地点，最优解的距离是 198，共有 410 个最优解。

2.2 测试结果

实验所用硬件为 Intel CPU 1.80 GHz，内存 32 GB，软件为 Windows10 操作系统，C++ 开发语言。算法对算例 1 和 2 的计算结果如表 1 所示，其中出发点是序号为 0 的地点。可以看出本文算法对算例 1 和 2 都可以求出全部最优解，正确率 100%，对于较小规模的 TSP 问题，本算法具有较高的精度。

表 1 算例 1、2 的计算结果

算例 1	算例 2
{0,1,2,3,4,5}	{0,1,3,2,7,6,4,5}
{0,1,2,3,5,4}	{0,1,3,4,6,7,2,5}
{0,1,2,4,3,5}	{0,1,3,4,6,7,5,2}
{0,1,2,4,5,3}	{0,1,6,7,2,3,4,5}
{0,1,2,5,3,4}	{0,1,6,7,2,5,4,3}
{0,1,2,5,4,3}	{0,1,6,7,5,4,3,2}
{0,1,3,4,5,2}	{0,1,7,6,4,3,2,5}
{0,1,3,5,4,2}	{0,1,7,6,4,5,2,3}
{0,2,1,3,4,5}	{0,2,3,1,7,6,4,5}
{0,2,1,3,5,4}	{0,2,3,4,5,7,6,1}
{0,2,4,5,3,1}	{0,2,5,4,6,7,1,3}
{0,2,5,4,3,1}	{0,2,5,7,6,4,3,1}

表 1(续)

算例 1	算例 2
{0,3,4,5,2,1}	{0,2,7,6,1,3,4,5}
{0,3,5,4,2,1}	{0,3,1,7,6,4,5,2}
{0,4,3,5,2,1}	{0,3,2,5,4,6,7,1}
{0,4,5,3,1,2}	{0,3,4,5,2,7,6,1}
{0,4,5,3,2,1}	{0,5,2,3,4,6,7,1}
{0,5,3,4,2,1}	{0,5,2,7,6,4,3,1}
{0,5,4,3,1,2}	{0,5,4,3,1,6,7,2}
{0,5,4,3,2,1}	{0,5,4,3,2,7,6,1}
	{0,5,4,6,7,1,3,2}
	{0,5,4,6,7,2,3,1}

算例 3~5 的计算结果比较如表 2 所示，其中 SGA 是简单遗传算法，BCGA 是基本排挤遗传算法，ICGA 是本文改进排挤遗传算法。EN 表示算例序号；TA 表示算法种类；UTILD 表示最后的多样性；AVERD 表示平均多样性；NOOS 表示最优解个数；AOPS 表示最终路径最优解正确率；APOSA 表示平均路径最优解正确率。

表 2 算例 3、4、5 的计算结果比较

EN	TA	UTILD	AVERD	NOOS	APOSA	AOPS
3	SGA	0.87	0.88	5	0.02	0.03
	BCGA	0.89	0.90	174	0.60	0.88
	ICGA	0.86	0.88	190	0.87	0.96
4	SGA	0.95	0.94	1	0.01	0.00
	BCGA	0.87	0.89	313	0.54	0.77
	ICGA	0.85	0.87	351	0.78	0.86
5	SGA	0.93	0.94	1	0.00	0.00
	BCGA	0.91	0.92	209	0.28	0.51
	ICGA	0.89	0.90	344	0.65	0.84

表 2 可以看出，随着 TSP 问题规模变大，所有算法的正确率都会降低。但无论哪种算例，ICGA 正确率都比 SGA 和 BCGA 要高，无论是最后的正确率还是平均正确率。SGA 的正确率最低，因为其算法过早收敛于局部最优解。SGA 的多样性会有波动，但 ICGA 的多样性都比 BCGA 的多样性要低，表明 ICGA 种群更加集中，综合可以看出 ICGA 具有更高的求解精度。

算法对算例 3 求解的最优解正确率变化曲线如图 1 所示，对算例 3 求解的平均适应度如图 2 所示，对算例 3 求解的种群多样性变化曲线如图 3 所示。从图 1 可以看出，SGA 算法的正确率很低，因为过早聚焦于某个局部最优解，无法在后面的遗传过程中探索更多不同的最优解。BCGA 算法引入遗传排挤操作，使得种群能够聚集到不同的最优解区域，可以求得更多的最优解。但 BCGA 的求解速度比较低，需要经过一定的遗传代数才能够达到求解精度，过程比较缓慢。

可以看出 ICGA 算法的正确率最高, 而且其在较少的遗传代数下就可以达到较高的正确率, 既比 BCGA 的效率高, 也比 BCGA 的求解正确率高。从图 2 可以看出, 算法 SGA 的适应度值最低, 而且几乎未上升。BCGA 的适应度缓慢上升, 速度较慢, 而 ICGA 能够快速上升, 在较短的遗传代数下就可以达到很高的适应度值。从图 3 可以看出, SGA 的多样性会有较大波动, 趋势向下。BCGA 和 ICGA 的多样性会缓慢下降, 表示种群在遗传过程中慢慢聚集到最优解附近, 而且 ICGA 比 BCGA 下降速度要快, 并且都比 BCGA 要低, 表明 ICGA 种群更加集中到最优解。所以, 从 3 张图中可以看出 ICGA 既有更高的求解精度, 又有较快的求解速度。

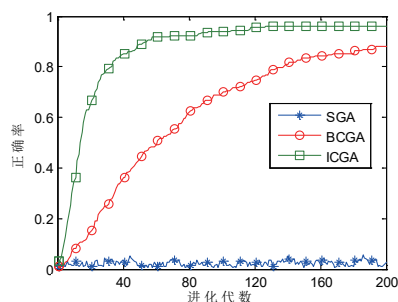


图 1 算例 3 的最优解正确率

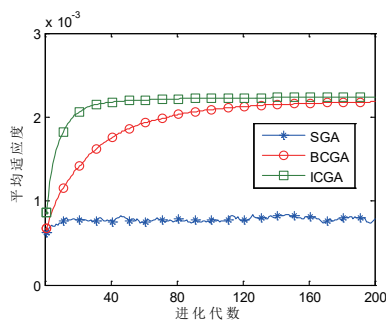


图 2 算例 3 的平均适应度

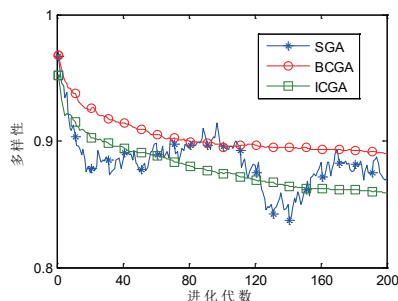


图 3 算例 3 的多样性

3 结语

遗传算法是求解 TSP 问题的一种启发式算法, 但其具有过早收敛的问题, 无法胜任对于有多个最优解的 TSP 问题。本文利用排挤遗传算法和基于路径价值预算处理, 设计了一种改进遗传算法。其中排挤遗传利用小生境排挤遗传方式, 使得在遗传过程中能让染色体聚集在不同区域, 从而具有获

得更多最优解的能力。基于路径价值预算处理使得在遗传过程中能更加快速地寻找最优解, 提高了算法的求解效率。从实验结果来看, 该算法对于存在多个最优解的 TSP 问题, 具有较好的求解精度和求解速度。

参考文献:

- [1] 王璞, 刘宏杰, 周永录. 基于改进人工鱼群算法求解旅行商问题及多点路径规划 [J]. 科学技术与工程, 2024, 24(35): 15090-15097.
- [2] 杨一健, 李明, 方赛银. 基于信息熵的改进蚁群算法求解 TSP 问题 [J]. 计算机工程与设计, 2024, 45(9): 2874-2881.
- [3] 韦念念, 韩曙光. 基于图卷积和注意力神经网络的旅行商问题新解法 [J]. 计算机科学, 2024, 51(S1): 210-217.
- [4] 徐福强, 邹德旋, 章猛, 等. 改进混合粒子群算法求解旅行商问题 [J]. 智能计算机与应用, 2022, 12(11): 229-235.
- [5] 李昌兴, 黄杉. 求解旅行商问题的联合算子模拟退火算法 [J]. 西安邮电大学学报, 2022, 27(4): 89-94.
- [6] 唐阳丽. 人工协同搜索算法及在旅行商问题中的应用 [D]. 西安: 西安理工大学, 2022.
- [7] 张月栋, 莫愿斌. 改进的麻雀搜索算法及其求解旅行商问题 [J]. 计算机系统应用, 2022, 31(2): 200-206.
- [8] 陈浩杰, 范江亭, 刘勇. 深度强化学习解决动态旅行商问题 [J]. 计算机应用, 2022, 42(4): 1194-1200.
- [9] 熊文瑞, 陶继平. 自适应对抗学习求解旅行商问题 [J]. 计算机工程与应用, 2022, 58(17): 224-229.
- [10] 唐文秀. 基于改进禁忌搜索算法求解 TSP 问题 [J]. 科学技术创新, 2022, (4): 154-157.
- [11] 姚明海, 王娜, 赵连朋. 改进的模拟退火和遗传算法求解 TSP 问题 [J]. 计算机工程与应用, 2013, 49(14): 60-65.
- [12] JEBARI K, MADIIFI M. Selection methods for genetic algorithms [J]. International journal of emerging sciences. 2013, 3(4): 333-344.
- [13] SONI N, KUMAR T. Study of various crossover operators in genetic algorithms [J]. International journal of computer science and information technologies, 2014, 5 (6): 7235-7238.
- [14] LIM S M, MD SULTAN A B, MUSTAPHA A, et al. Crossover and mutation operators of genetic algorithms [J]. International journal of machine learning and computing, 2017, 7(1): 9-12.
- [15] 邹泽桦, 曾九孙, 蔡晋辉. 改进遗传算法求解柔性作业车间调度问题 [J]. 计算机测量与控制, 2017, 25(4): 167-171.

【作者简介】

刘文涛 (1977—), 男, 湖北广水人, 硕士, 副教授, 研究方向: 智能计算。

(收稿日期: 2025-06-03 修回日期: 2025-11-14)